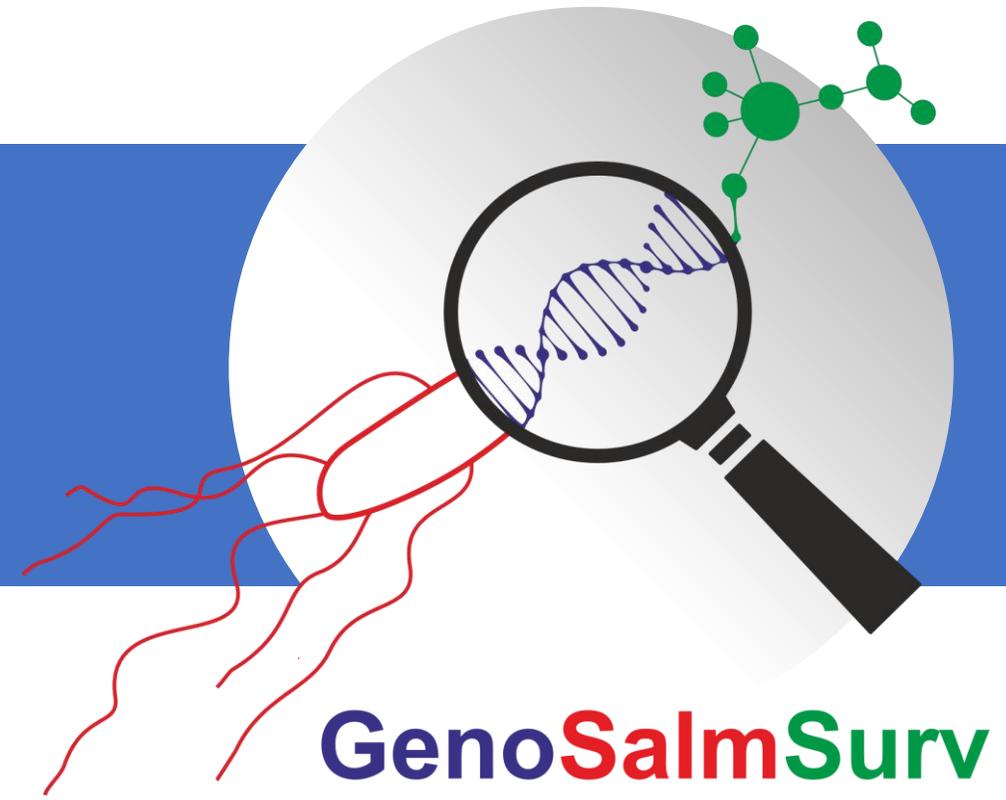


GenoSalmSurv screencasts



GenoSalmSurv

GenoSalmSurv

screencasts

das Projekt 1

die Pipelines 2

AQUAMIS und die QC Entscheidung 3

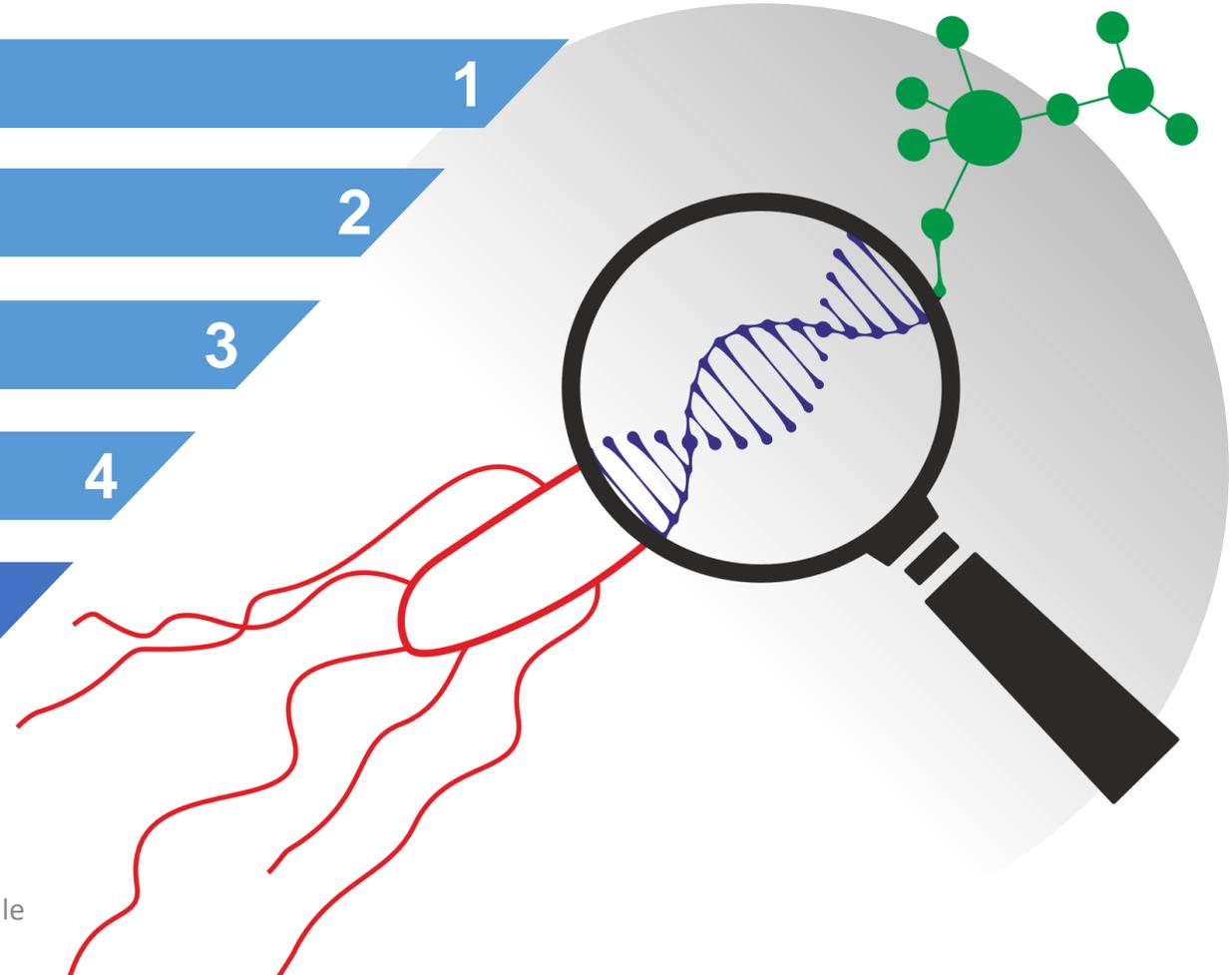
das allele calling: chewieSnake 4

Metachewiereport + Interpretation 5

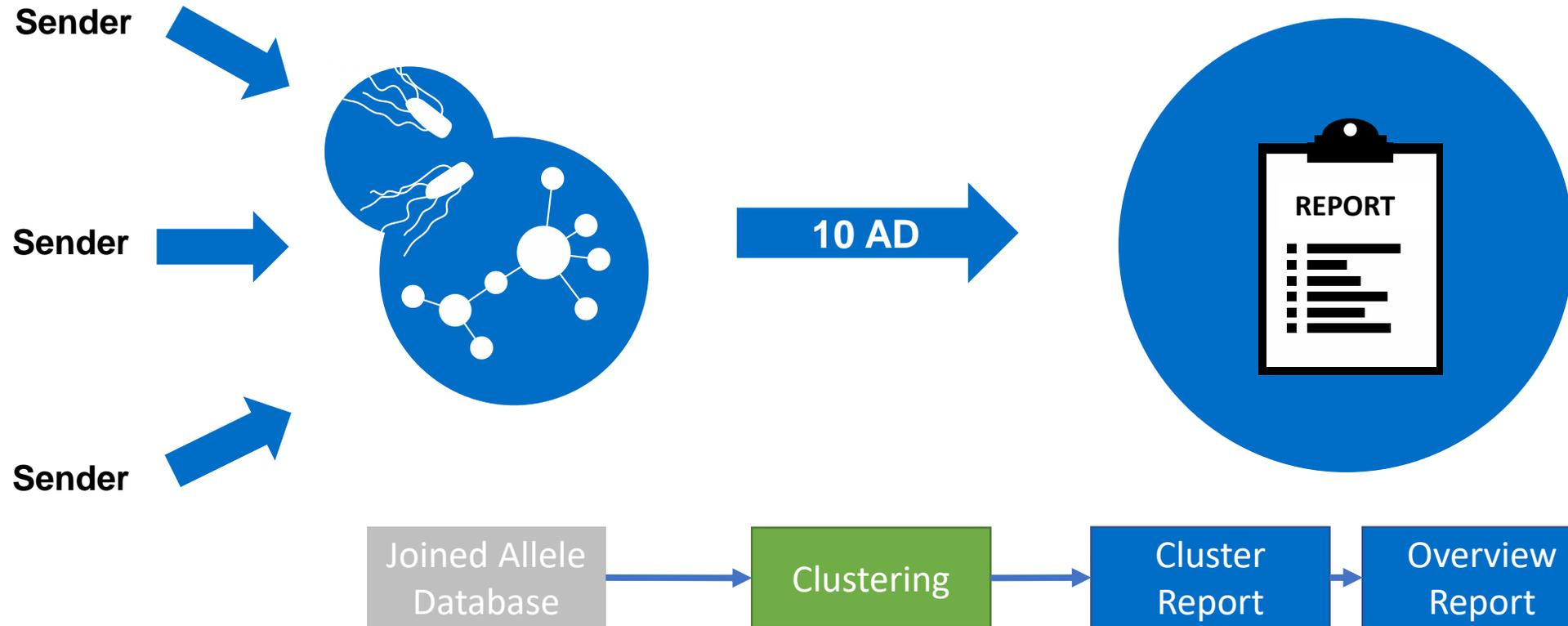
Demo einer Ausbruchsanalyse 6

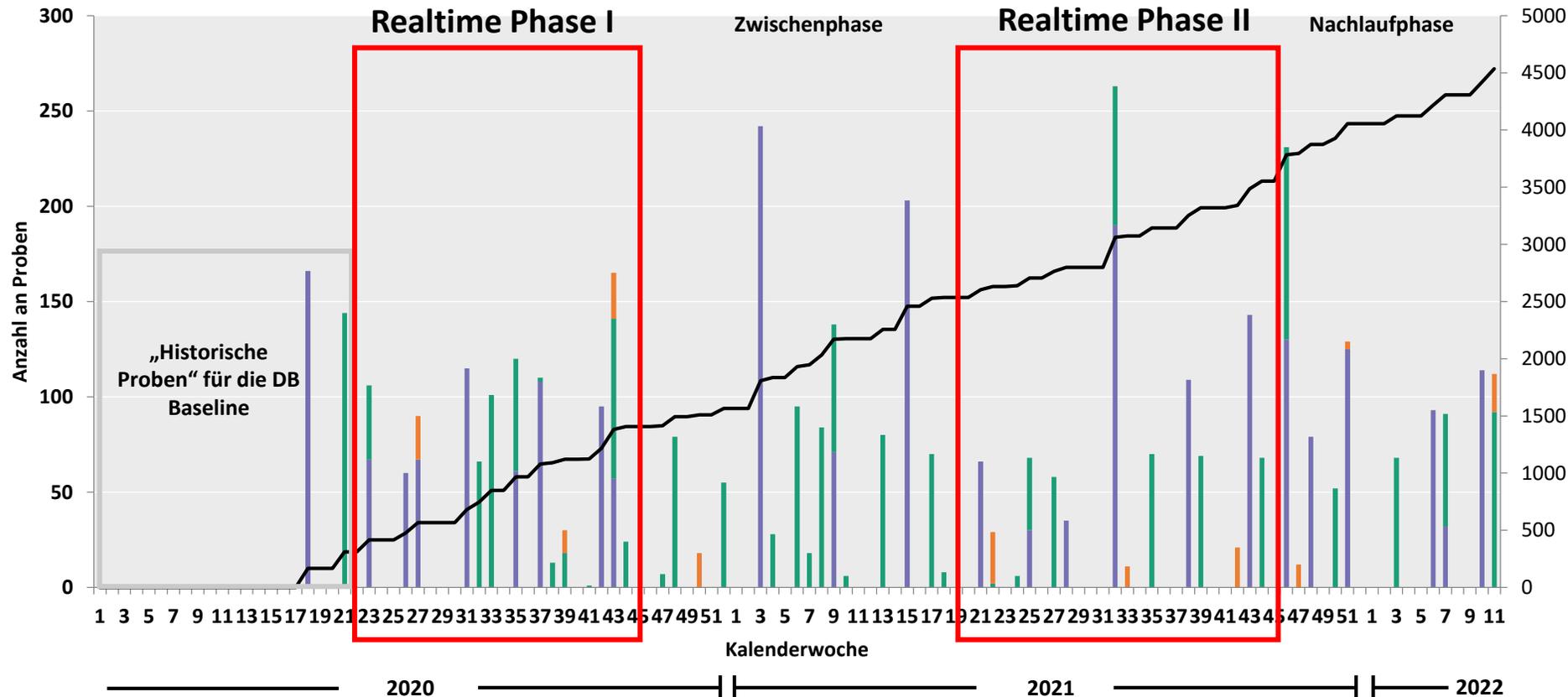
Installationshilfe 7

Fußzeile

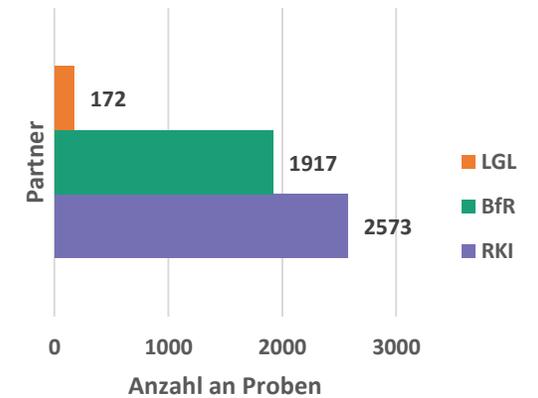


Clusterdaten Generierung mit dem cgMLST Cluster Report

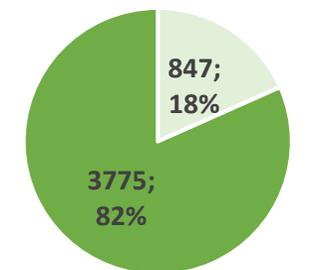




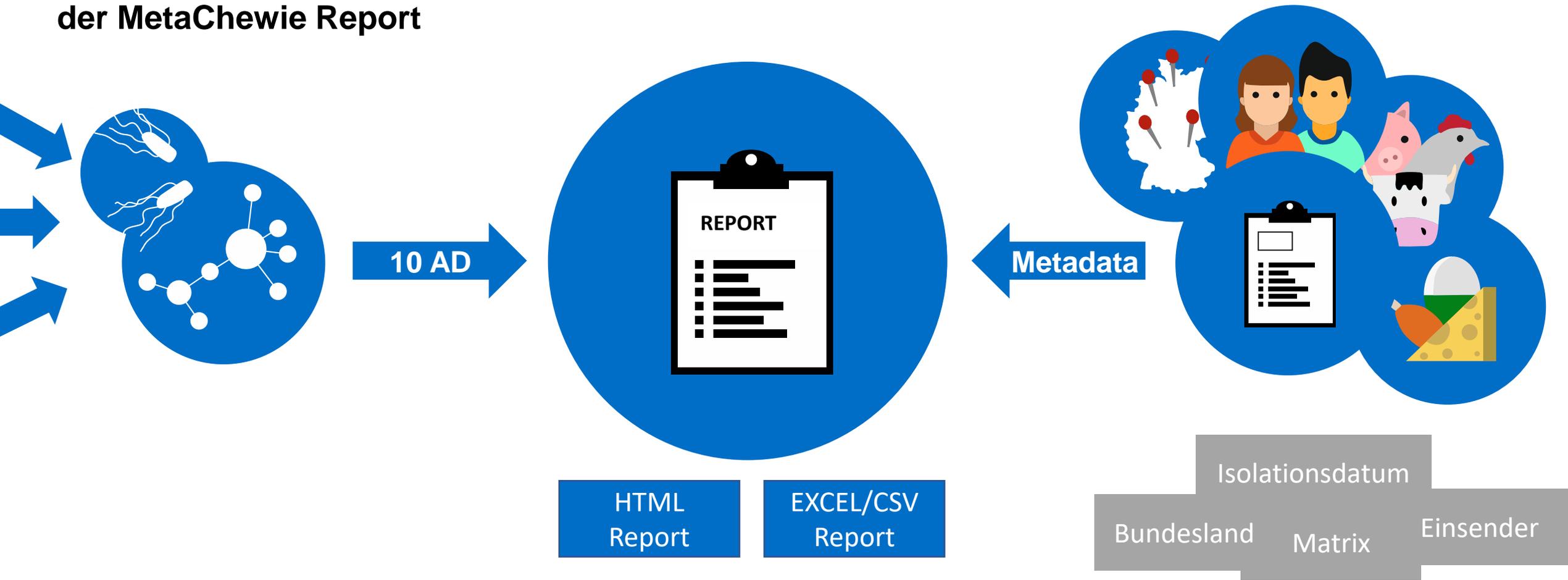
Isolate pro Institute



DB Gesamtgröße



der MetaChewie Report

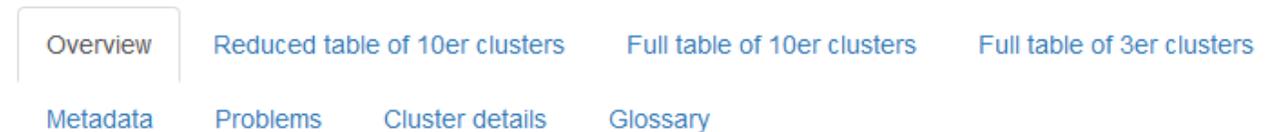


Was kann MetaChewie (mehr)

- Interaktives HTML File
- CSV / Excel File
- Interaktivität innerhalb des Reports
- Feedback durch Kommentarfunktion
- Möglichkeit zur Übernahme
- Exportfunktion für Berichte
- Verschiedene Informationslevel zu Clustern durch automatisierte Clusterbewertungen

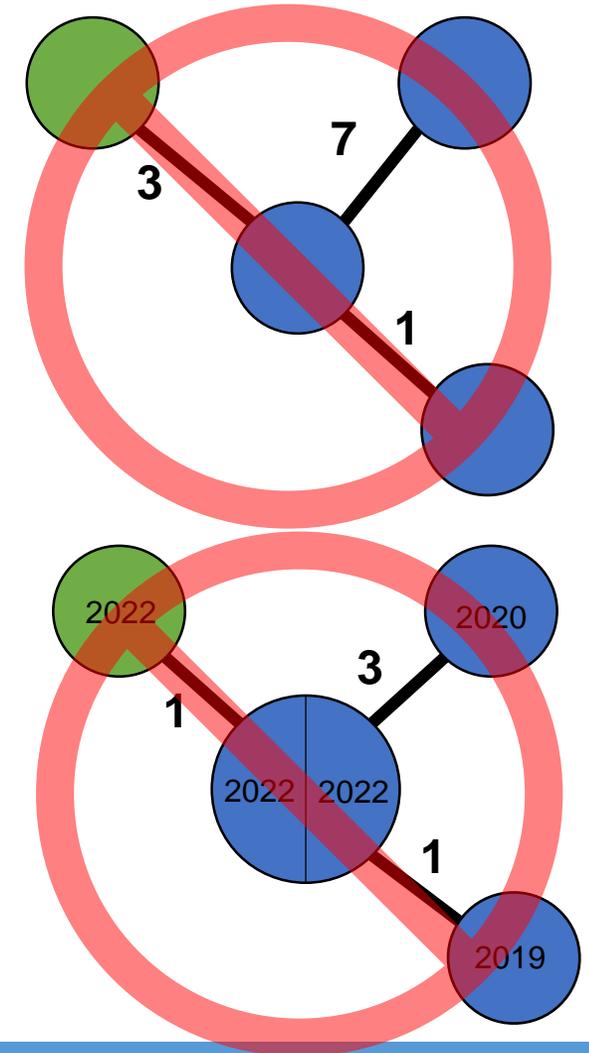
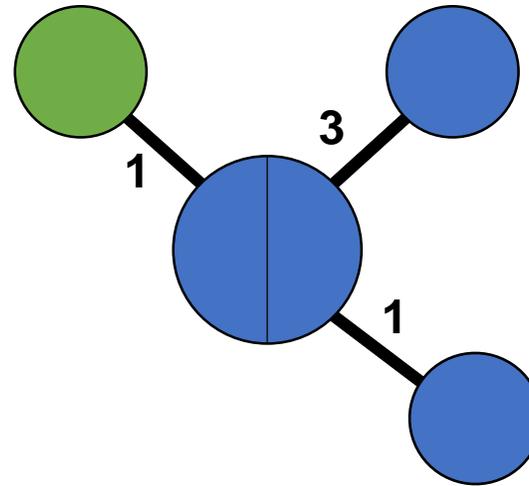
Metachwie: combined GSS cluster report

GenoSalmSurv combined report



Fokuscluster: Einschlusskriterien

1. Mindestens 3 Proben humane Ursprungs (mit einer definierten Alleldistanz)
2. Mindestens eine Probe nicht-humanen Ursprungs mit einer Alleldistanz von < 10
3. Minimale Wachstumsrate von 1 in den letzten 60 Tagen



weitere Bewertungskriterien

Cluster Priorität

1. Hoch: Aktives Fokuscluster
2. Normal: Inaktives Fokuscluster und aktive humane Cluster
3. Niedrig: alle weiteren Cluster

Cluster Aktivität

1. Aktiv: Letzte Probe jünger als 30 Tage
2. Beobachtend: Letzte Probe jünger als 60 Tage
3. Inaktiv: alle weiteren Cluster



GenoSalmSurv combined report

Overview [Reduced table of 10er clusters](#) [Full table of 10er clusters](#) [Full table of 3er clusters](#) [Metadata](#) [Problems](#) [Cluster details](#) [Glossary](#)

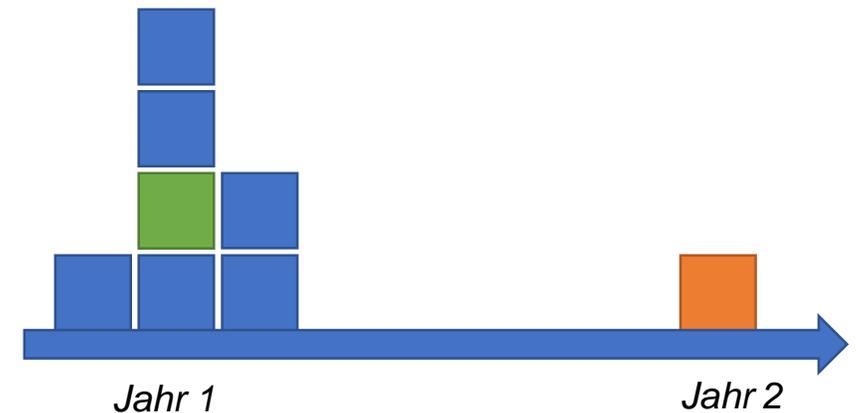
	Value
total 10 AD clusters	513
Focus clusters	21
updated Focus clusters	6
clusters with change	96
Focus clusters with change	9
clusters with recent updates	78
Focus clusters with recent updates	11
activity summary	active: 22;inactive:417;watching: 74
Focus clusters activity summary	active: 6;inactive:10;watching: 5
priority summary	high: 6;low:499;normal: 8
Focus clusters priority summary	high: 6;low:10;normal: 5
Neue cluster	3

Interpretation: Jedes Cluster ist anders...

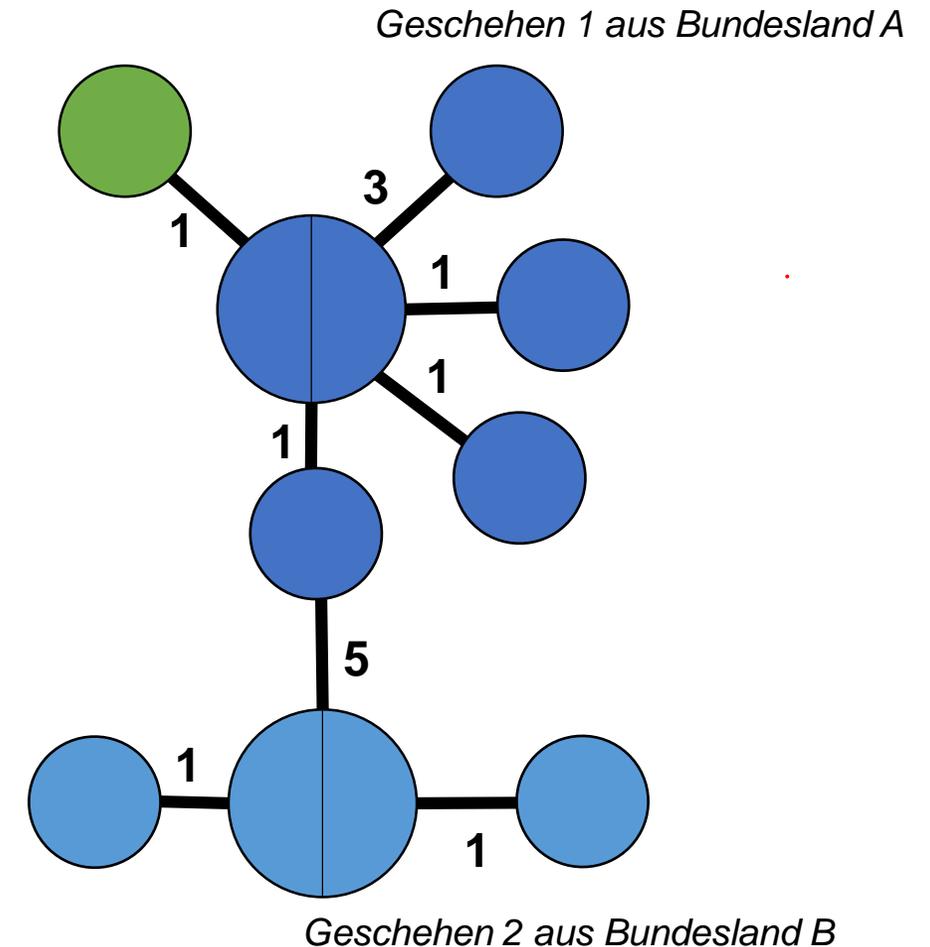
Punkte zur Beachtung bei der Clusteranalyse und -kommunikation

Aus humaner Sicht betrachtet gibt es Clustertypen mit unterschiedlicher Größe und zeitliche Dimension.

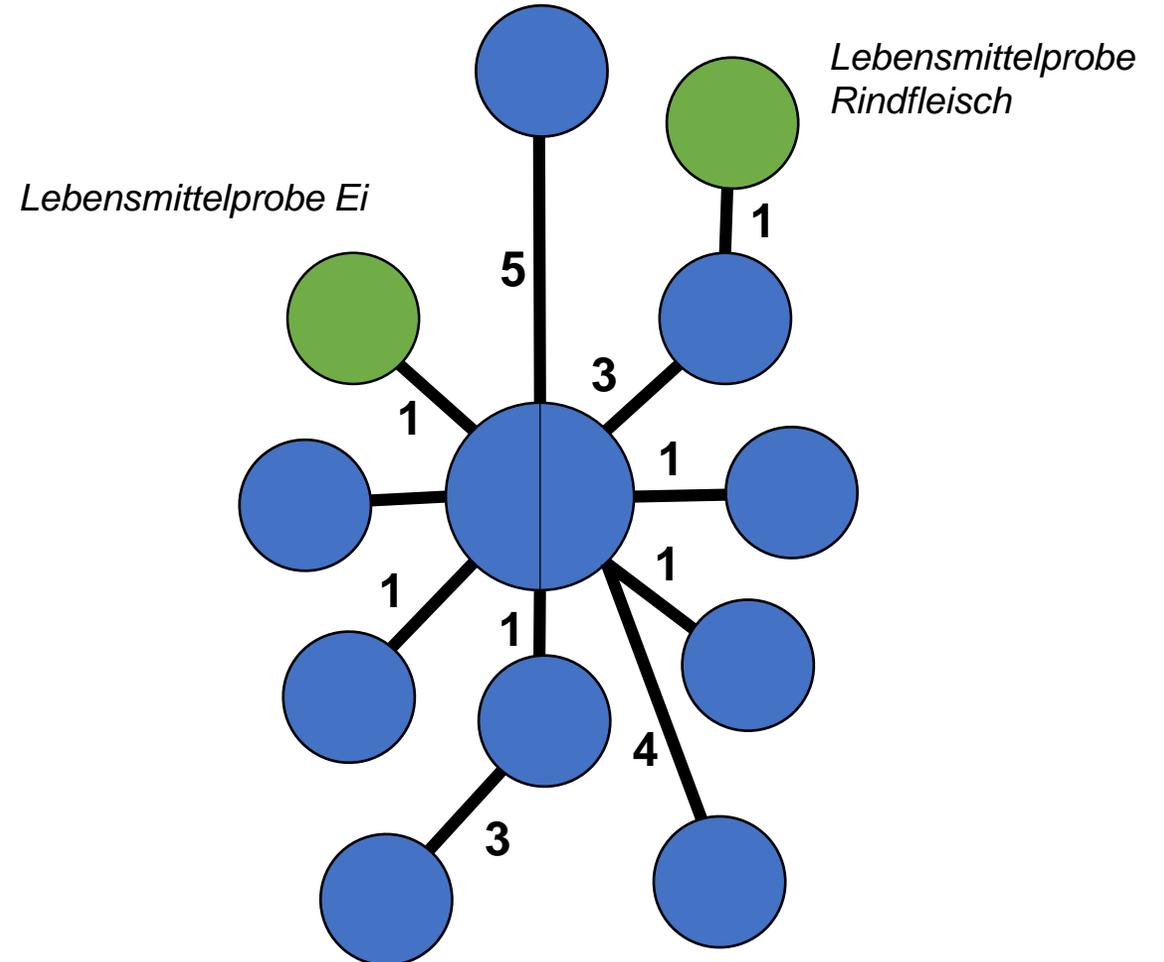
- Distinktes und kurzes /schnelles Wachstum
- langsames, über Jahre andauerndes Clusterwachstum
 - Nachverfolgung schwierig, da Ereignis zu weit zurückliegend für Befragungen zur Identifizierung der Ausbruchsquelle

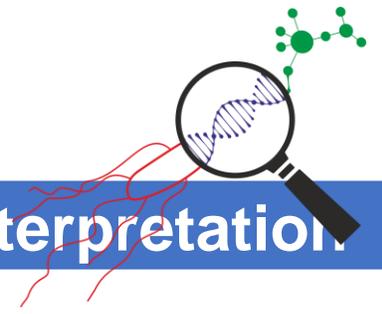


- regional und getrennt von zweitem Cluster, aber in der cgMLST eng verwandt (z.B. 3-5 AD)
 - Epidemiologische Bewertung zwingend notwendig zur Einordnung des Geschehens
- Diffuse Clustergrenzen: Proben orientieren sich um ein Referenzisolat, haben aber zeitliche und/oder größere AD
 - Epidemiologische Bewertung zwingend notwendig zur Ein- und Zuordnung zu einem möglichen Geschehen

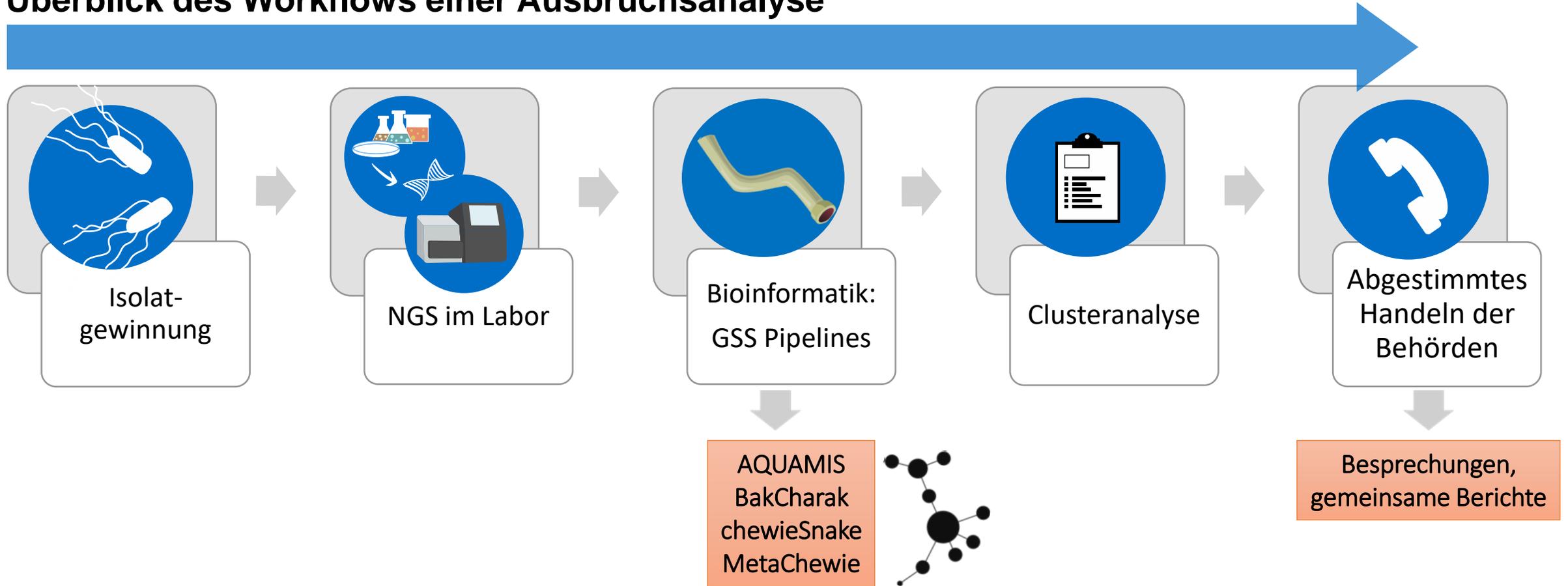


- regional und getrennt von zweitem Cluster, aber in der cgMLST eng verwandt (z.B. 3-5 AD)
 - Epidemiologische Bewertung zwingend notwendig zur Einordnung des Geschehens
- **Diffuse Cluster Grenzen: Proben orientieren sich um ein Referenzisolat, haben aber zeitliche und/oder größere AD**
 - **Epidemiologische Bewertung zwingend notwendig zur Ein- und Zuordnung zu einem möglichen Geschehen**





Überblick des Workflows einer Ausbruchsanalyse



GenoSalmSurv

screencasts

das Projekt 1

die Pipelines 2

AQUAMIS und die QC Entscheidung 3

das allele calling: chewieSnake 4

Metachewiereport + Interpretation 5

Demo einer Ausbruchsanalyse 6

Installationshilfe 7

Fußzeile

